

protein	gene locus	peptide sequence	Δ redox state	p-value
Eno	CDIF630erm_03462	GLACGVGDEGGFAPNLGSNR	20,52	0,003
		VLGEKGLACGVGDEGGFAPNLGSNR	31,03	0,037
GpmI	CDIF630erm_03463	ALEVGIDPILCVGETLEQR	20,12	0,002
		DKVNSDKVEAVICAPFTLLK	11,79	0,010
		VNSDKVEAVICAPFTLLK	11,92	0,039
Tpi	CDIF630erm_03464	TIEDIDVCGK	27,63	0,000
		VILCSHLGKPK	32,14	0,001
		AHCSTVGAGEFLQER	25,63	0,001
		CDFNVPLQDGVITDENR	35,92	0,001
		VILCSHLGK	32,42	0,001
		VCGYLIQK	29,18	0,003
		TIEDIDVCGKK	25,04	0,006
		KTIEDIDVCGKK	27,72	0,007
Pgk	CDIF630erm_03465	TIEDIDVCGK	27,63	0,000
		VILCSHLGKPK	32,14	0,001
		AHCSTVGAGEFLQER	25,63	0,001
		CDFNVPLQDGVITDENR	35,92	0,001
		VILCSHLGK	32,42	0,001
		VCGYLIQK	29,18	0,003
		TIEDIDVCGKK	25,04	0,006
		KTIEDIDVCGKK	27,72	0,007
GapA	CDIF630erm_03466	VPVVTGSITELVCTLGK	21,69	0,002
		GKLDGAAQRVPVVTGSITELVCTLGK	17,21	0,062
CggR	CDIF630erm_03467	YGCEYFLGILK	27,71	0,009